

☐ 학술대회 프로그램 / 세부 참여 연사 안내

2021.07.06. 일자

2021년도 여름정기학술대회 Short Course 교육연사 리스트					
25 일(수)	(Organizer: 한상윤(가천대학교) & 김기훈(한국과학기술연구원))				
Course 1	Introduction to MS				
	NO.	발표시간	성명	소속	세부발표제목
	1	13:00~14:10 (70 분)	오한빈	서강대학교	Introduction to Mass Spectrometry
	2	14:20~15:30 (70 분)	조 건	한국기초과학지원연구원	Ionization Methods
	3	15:40~16:50 (70 분)	김태영	광주과학기술원	Mass Analysers
Course 2	Techniques in LC-MS & GC-MS				
	NO.	발표시간	성명	소속	세부발표제목
	1	13:00~14:10 (70 분)	이재익	한국과학기술연구원	Practical Aspects of Chromatography-combined MS (Part I.)
	2	14:20~15:30 (70 분)	김기훈	한국과학기술연구원	Practical Aspects of Chromatography-combined MS (Part II.)
	3	15:40~16:50 (70 분)	김종서	서울대학교	Tandem MS and MS-based Quantification
Course 3	MS-based Validation				
	NO.	발표시간	성명	소속	세부발표제목
	1	13:00~14:10 (70 분)	김훈주	대구경북 첨단의료산업진흥재단	Overview of Method Validation
	2	14:20~15:30 (70 분)	표재성	경성대학교	Method Validation for Pharmaceutical
	3	15:40~16:50 (70 분)	임흥빈	단국대학교	ICP-MS 분석을 위한 시료처리 및 기기 Parameters

2021년도 여름정기학술대회 발표연사 리스트

2021년도 여름정기학술대회 발표연사 리스트						
SYM 1 8/26(목) 12:55~14:55 (120분)	Clinical and Biomedical Research			김재석 (한림대학교) 최만호 (한국과학기술연구원)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	12:55~13:25 (30분)	전장수 (국내 keynote)	광주과학기술원(GIST)/ 생명과학부	교수	to be updated
	2	13:25~13:50 (25분)	성문우	서울의대 진단검사의학과	교수	Characterization of host response to COVID-19 and protein dynamics using blood proteome profiling
	3	13:50~14:15 (25분)	진종화	오송첨단의료산업진흥재단 KbioHealth	선임연구원	Development of Diagnostic Multimarkers for Glioblastoma at Early Stages Using Quantitative Proteomic Method
	4	14:15~14:35 (20분)	김현수	충남대학교/ 생명정보융합학과	조교수	Applications of Mass Spectrometry for Clinical Diagnostics
	5	14:35~14:55 (20분)	안창호	분당서울대병원/내분비내과	조교수	Multiteroid profiling for differential diagnosis of endocrine diseases: Cushing's syndrome and more
SYM 2 8/26(목) 12:55~14:55 (120분)	Fundamentals & Elemental Analysis			김준곤 (고려대학교) 이경석 (한국표준과학연구원)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	12:55~13:15 (20분)	서종철	포항공과대학교	교수	Gas-Phase Complex Ions of Cucurbituril and Metal halide clusters Investigated by Ion Mobility-Mass Spectrometry
	2	13:15~13:35 (20분)	이종화	한국표준과학연구원	책임연구원	Certified reference materials (CRMs) for chemical analysis: what and how
	3	13:35~13:55 (20분)	강성원	영인에이스 사이언스1팀	수석연구원	Iontransmission study according to RF power and initial input conditions in the ICP-MS plasma source
	4	13:55~14:15 (20분)	류종식	부경대학교	교수	동위원소 분석을 통한 한강 수계 내 자연적 인위적 영향 평가
	5	14:15~14:35 (20분)	홍기룡	한국표준과학연구원	선임연구원	Determination of atomic weight of neon using gas mass spectrometer and gas chromatography

SYM 3 8/26(목) 12:55~14:55 (120분)	Food & Agriculture			이도엽 (서울대학교) 김재한 (충남대학교)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	12:55~13:15 (20분)	김재한	충남대학교	교수	Omics of Nutrients: Nutrienomics of Human Maternal Milk
	2	13:15~13:35 (20분)	정지연	한국한의학연구소	책임연구원	Mechanism exploration of herbal decoction based on network pharmacology and integrated omics approach
	3	13:35~13:55 (20분)	Nguyen Thi My Tuyen	카보엑스퍼트		to be updated
	4	13:55~14:15 (20분)	신민혜	서울대학교	연구교수	Identification and evaluation of food-originated microbial metabolites for prevention of human diseases
		14:15~14:35 (20분)	서우덕	농촌진흥청	책임연구원	Development of health functional food from crop seedlings using metabolites farming
SYM 4 8/26(목) 15:10~17:10 (120분)	Pharmaceutical Analysis			한상범 (중앙대학교) 이상규 (경북대학교)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	15:10~15:30 (20분)	이용문	충북대학교 약학대학	교수	The Regulatory Strategies for Genotoxic Pharmaceutical Impurities
	2	15:30~15:50 (20분)	한상범	중앙대학교 약학대학	교수	Current state and challenges of LC-MS/MS analysis for the quantification of nitrosamine impurities in pharmaceuticals
	3	15:50~16:10 (20분)	진창화	삼진제약	이사	On-line SFE-SFC-MS/MS for the Determination of NDMA and NDEA in Drug Substances and Drug Products
	4	16:10~16:30 (20분)	김혜정	오송첨단의료산업진흥재단	선임연구원	Multi-omics analysis for characterization of extracellular vesicles
	5	16:30~16:50 (20분)	이종석	경기도경제과학진흥원	수석연구원	Characterization of biosimilar and antibody-drug conjugate(ADC) by Orbitrap Fusion mass spectrometer
	6	16:50~17:10 (20분)	김진영	대검찰청 마약감식실	박사	Regression Model for the Preparation of Calibration Curve in the Quantitative LC-MS/MS Analysis of Drugs of Abuse

SYM 5 8/26(목) 15:10~17:10 (120분)	Environmental and Consumer Chemical Products Analysis			오한빈 (서강대학교) 권정환 (고려대학교)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	15:10~15:35 (25분)	최종우 (국내 keynote)	국립환경과학원	센터장	Case Studies using Stable Isotope Ratios in Environmental Pollution
	2	15:35~15:55 (20분)	오정은	부산대학교	교수	국내 수환경에서의 신종유해물질 분석
	3	15:55~16:15 (20분)	고영림	울지대학교	교수	LC-MS/MS를 이용한 인체 시료 중 대체가소제 대사체 분석
	4	16:15~16:35 (20분)	김태영	광주과학기술원	부교수	Improving LC-MS sensitivity for structural characterization of lignin oligomers using acetic acid as a mobile phase additive
	5	16:35~16:55 (20분)	전준호	창원대학교	부교수	추정/비표적분석을 이용한 신종 오염물질 확인 및 검증
	6	16:55~17:10 (15분)	하연정	고려대학교	연구교수	Estimating exposure to effective chlorine while using chlorinated disinfectants: PTR-MS analysis and passive air sampling applications
SYM 6 8/26(목) 15:10~17:10 (120분)	Protein and Proteomics			김종서 (서울대학교) 강덕진 (한국표준과학연구원)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	15:10~15:40 (30분)	유종신 (국내 keynote)	한국기초과학지원연구원	책임연구원	Characterization of Protein Glycosylation by Mass Spectrometry
	2	15:40~16:00 (20분)	김광표	경희대학교 응용화학과	교수	to be updated
	3	16:00~16:20 (20분)	안현주	충남대학교 분석과학기술대학원	교수	Spatiotemporal Diversity of Glycome Expression in Mammalian Brain
	4	16:20~16:37 (17분)	김경곤	서울아산병원/ 울산의대 융합의학과	부교수	Proteome analysis of FFPE tissue samples for translational research
	5	16:37~16:54 (17분)	고병준	성신여자대학교 바이오신약의과학부	조교수	Novel Interface for Faster Protein Analysis by Electrospray Mass Spectrometry
	6	16:54~17:11 (17분)	박해민	충남대학교 응용화학공학과	조교수	Novel Interface for Faster Protein Analysis by Electrospray Mass Spectrometry

SYM 7 8/27(금) 09:00~11:00 (120분)	Metabolomics & Lipidomics			권성원 (서울대학교) 류광현 (경북대학교)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	09:00~09:30 (30분)	강교빈	숙명여자대학교	교수	Spectral network paradigm for chemically informed analysis in untargeted MS/MS-based metabolomic
	2	09:30~10:00 (30분)	이현범	한국과학기술연구원(KIST)	선임연구원	Inhibition of lipogenesis rewires lipid metabolism for cell survival in prostate cancer
	3	10:00~10:30 (30분)	김형민	충남대학교	교수	Metabolomic analysis to evaluate toxic effects of environmental pollutants using model organisms
	4	10:30~11:00 (30분)	정지선	한국표준과학연구원	책임연구원	Measurement Comparability for Amino Acid Analysis in Blood Samples
SYM 8 8/27(금) 09:00~11:00 (120분)	Material & Surface Analysis			변재철 (연세대학교) 오주연 (㈜아스타)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	09:00~09:20 (20분)	이연희	한국과학기술연구원(KIST)	책임연구원	New Applications of Time-of-Flight Secondary Ion Mass Spectrometry
	2	09:20~09:40 (20분)	김영관	동국대학교	조교수	Laser desorption/ionization time-of-flight mass spectrometric analysis of carbon-based materials and their analytical application for various analytes
	3	09:40~10:00 (20분)	손진경	한국표준과학연구원	선임연구원	ToF-SIMS surface analysis and its applications to biological samples
	4	10:00~10:20 (20분)	정주희	덕성여자대학교 약학대학	부교수	Application of MALDI-Mass Spectrometry Imaging in Cancer Research
	5	10:20~10:40 (20분)	최창민	한국기초과학지원연구원	선임연구원	Surface analytical studies on organic materials using gas cluster ion beam (GCIB)
	6	10:40~11:00 (20분)	오주연	㈜아스타	수석연구원	Application of Ultrafine Focus LDI-TOF Mass Spectrometry for OLED Material and Device Analysis

SYM 9 8/27(금) 09:00~11:00 (120분)	Young Scientist (Emerging Scientist)			서종철 (포항공과대학교) 황희진 (극지연구소)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	09:00~09:20 (20분)	박종민	연세대학교 의과대학	연구조교수	Quantitative analysis of lysophosphatidylcholine in patient serum for diagnosis and mortality prediction of sepsis using MALDI-TOF MS based on a parylene-matrix chip
	2	09:20~09:40 (20분)	하나리	유한양행 중앙연구소	책임연구원	A Comparison of LC-MS/MS and a Fully Integrated Autosampler/Solid-Phase Extraction System for Analysis of In vitro ADME assay
	3	09:40~10:00 (20분)	배진기	고려대학교 화학과	박사후연구원	Development of Sample Preparation Methods towards In-depth Proteomics of Pathological Tissues
	4	10:00~10:20 (20분)	장광철	극지연구소	박사후연구원	Measurement of sedimentary Nd isotopic compositions using thermal ionization mass spectrometer for the reconstruction of Arctic paleoenvironments
	5	10:20~11:00 (40분)	김동휘 (시마즈상 수상자)	한국해양과학기술원	선임연구원	to be updated

SYM 9 8/27(금) 11:20~12:00 (40분)	Special Lecture			김영환 (한국기초과학지원연구원)		
	NO.	발표시간	성명	소속	직위	발표제목
	1	11:20~12:00 (40분)	홍종기	경희대학교 (제6대 전임 부회장)	교수	My Mass Spectrometry Journey: drugs, environmental pollutants and metabolome